



UNIVERSITÀ DI PISA

GENETICA

STEFANO LANDI

| | |
|-----------------|--------------------|
| Anno accademico | 2020/21 |
| CdS | SCIENZE BIOLOGICHE |
| Codice | 082EE |
| CFU | 9 |

| | | | | |
|----------|-----------|---------|-----|-------------------------------------|
| Moduli | Settore/i | Tipo | Ore | Docente/i |
| GENETICA | BIO/18 | LEZIONI | 80 | FEDERICA GEMIGNANI STEFANO LANDI |

Obiettivi di apprendimento

Conoscenze

Lo studente alla fine della parte semestrale del corso avrà acquisito le conoscenze di base della Genetica.

Lo studente che completa con successo il corso avrà la capacità di definire l'eredità dei tratti mendeliani e dell'eredità sessuale. Inoltre sarà in grado di dimostrare una solida conoscenza delle basi molecolari della variazione genetica, interazioni allele e geniche, mappatura cromosomica eucariotica, mutazioni geniche e cromosomiche e loro effetti fenotipici, genetica delle popolazioni; infine sarà a conoscenza dei metodi di base dell'analisi delle mutazioni geniche e cromosomiche.

Modalità di verifica delle conoscenze

La verifica avviene tramite esame finale scritto (orale opzionale)

Capacità

Lo studente acquisisce la capacità di risolvere problemi di genetica mendeliana e di geni associati e conoscenze relative alla relazione genotipo-fenotipo

Modalità di verifica delle capacità

La verifica delle capacità acquisite avviene tramite la prova di esame con esercizi e domande aperte

Comportamenti

Lo studente acquisirà la mentalità appropriata per analizzare alberi genealogici e progettare studi di semplice genetica mendeliana

Modalità di verifica dei comportamenti

I comportamenti acquisiti si verificano tramite prova di esame

Prerequisiti (conoscenze iniziali)

Conoscenze di base necessarie provenienti prevalentemente dai programmi di liceo scientifico circa la biologia, la biologia molecolare (p.es. trascrizione e traduzione) e la chimica.

Indicazioni metodologiche

Le lezioni sono prevalentemente frontali ma prevedono anche un alto numero di ore dove si svolgono esercizi di genetica

Programma (contenuti dell'insegnamento)

Introduzione al corso.

Basi, deossinucleosidi, nucleotidi

La chimica del DNA. La regola di Chargaff.

La replicazione del DNA.

Le DNA polimerasi: tipi, processività, attività' esonucleasica. Appaiamenti non corretti ad opera di forme tautomeriche. L'attività' proof-reading.

Organizzazione del DNA eucariota in nucleosomi, fibra cromatinica, cromosomi.

Telomeri e telomerasi



UNIVERSITÀ DI PISA

Uno sguardo di insieme al genoma umano. Differenze tra genoma nucleare e mitocondriale. Mitosi. Fasi G1, S, G2, M. Interfase. Cromosomici interfascici e metafascici. Divisione cellulare (video).

Le fasi della mitosi. Le fasi della meiosi.

Profase della Meiosi I. Il complesso sinaptonemale. La struttura di Holliday. Il DNA eteroduplex.

Rappresentazione molecolare della meiosi. Dare un nome ad ognuno degli elementi dei cromosomi omologhi.

La prima legge di Mendel (Dominanza/recessività e legge della segregazione). Definizione di: gene, locus, allele, cromosoma omologo, linea pura, parentali, ibridi, monoibridi, incrocio monoibrido, allele, allele dominante, "allele wild-type", "allele mutante", allele recessivo, eterozigoti, omozigoti, omozigoti dominanti, omozigote recessivo, zigote, genotipo, fenotipo, locus genico, aploinsufficienza, aplosufficienza.

Rappresentazione molecolare della meiosi.

Una complicazione alle leggi di Mendel: eredità legata al sesso. Determinazione del sesso nei mammiferi e negli insetti. Incrocio maschio affetto x femmina wild-type; incrocio femmina affetta x maschio wild-type, stato alla F1 e alla F2. Analisi degli alberi genealogici. Esempi di analisi di alberi genealogici per caratteri autosomici recessivi. Caratteri autosomici recessivi: fenilchetonuria, albinismo, fibrosi cistica.

Alberi genealogici per caratteri autosomici dominanti. Nanismo acondroplastico, Sindrome di Marfan.

Corea di Huntington, Esadattilia, Brachidattilia, Piebaldismo. Analisi molecolare per identificazione di mutazioni (Southern Blot, Northern Blot, Western Blot).

Caratteri recessivi legati all'X. Esempi relativi al daltonismo, distrofia muscolare di Duchenne e Emofilia (fattore VIII). Altri esempi: sindrome della femminilizzazione testicolare. Caratteri dominanti legati all'X. Esempi possibili: X-linked vitamin-D resistant hypo-phosphatemia,

Sindrome di Rett, Sindrome AICARDI. L'inattivazione del cromosoma X (Lyonizzazione del cromosoma X). Esempi di inattivazione dell'X: gatte caliche, gatte tartarugate, displasia ectodermica anidrotica.

Calcolo delle probabilità semplice. Frequenze osservate, frequenze attese e test del Chi-Quadrato.

Esercizi.

La seconda legge di Mendel. Utilizzo del Quadrato di Punnett o del calcolo delle probabilità per prevedere la progenie in F2 di incroci di di-ibridi. Segregazione fenotipica 9:3:3:1.

Esercizi dimostrativi

Le basi cromosomiche dell'assortimento indipendente. Sintesi di linee pure e la virescenza degli ibridi. Eredità extranucleare. Eteroplasma.

Patologie legate al DNA mitocondriale. Caratteri a penetranza e/o espressività variabile. Esercizi di genetica mendeliana semplice (eredità a singolo gene)

Interazioni tra alleli di un singolo locus (serie alleliche). Meccanismi della dominanza completa (aplosufficienza, aploinsufficienza, dominanza negativa, guadagno di funzione). Esempio della osteogenesi imperfetta. Dominanza incompleta. Codominanza. Esempio del sistema di gruppi sanguigni ABO.

Serie alleliche. Alleli letali e relativa segregazione del carattere. Esempio di carattere quantitativo specificato da più loci (Quantitative trait loci). Caratteri distribuiti "a campana" per serie alleliche o per interazione tra loci (esempio di modello additivo dell'altezza).

Interazione di più loci appartenenti ad una medesima catena metabolica. Il lavoro di Beadle e Tatum. Ipotesi un gene=un enzima. Schema sperimentale dei mutanti di Neurospora crassa (da Beadle e Tatum).

La complementazione genica. Tra linee pure e studio dei gruppi di complementazione in vitro. Complementazione nelle famiglie e nelle linee cellulari.

Gruppi di complementazione.

Altre modalità di interazione tra loci distinti.

Prevedere la progenie sapendo il meccanismo di azione.

Esempio del serpente corallo (pattern di colorazione a due pigmenti). Esempio di fiore a petalo blu/petalo bianco.

L'epistasi recessiva (esempio di fiore a petalo bianco, magenta, blu).

Ancora esempi di epistasi recessiva. Pigmentazione del manto del labrador.

L'epistasi dominante. Esempio della Digitalis purpurea. Colorazione degli occhi nell'uomo:

Divertitevi con questo link:

<http://www.athro.com/evo/gen/genefr2.html>

Nella stessa via metabolica della Fenilchetonuria blocchi selettivi possono provocare fenotipi specifici. Quadro metabolico dell'fenilchetonuria, albinismo, cretinismo, tirosinosi e alcaptonuria. In onore di Archibald Garrod che studiò "gli errori congeniti del metabolismo".

La soppressione. Prevedere il tipo di segregazione quando un mutante soppressore produce un fenotipo o quando non lo produce.

Principi di genetica batterica. La trasformazione. La coniugazione batterica. Il fattore F di fertilità. I ceppi Hfr.

Esperimenti di coniugazione interrotta per definire l'ordine (in minuti) dei geni sul cromosoma di E. coli.

Ceppi Hfr differenti e ordinamento dei geni sul cromosoma batterico. Utilizzo della coniugazione per misurare le frequenze di ricombinazione tra geni contigui sul cromosoma procariota. I plasmidi F'. Diploidi parziali batterici. Meccanismi di formazione dei plasmidi F'.

Ricombinazione tra ceppi fagici differenti.

La trasduzione generalizzata e specializzata. Induzione zigotica. Formazione del genoma fagico lambda-delta.

Differenza nella segregazione (alla F2) di due loci quando sono indipendenti o quando sono "in linkage" (associati). Test del chi-quadro per indicare associazione o indipendenza. Uso del test-cross per svelare gli individui originati da gameti con combinazioni "parentali" o "ricombinanti". Fase gametica, aplotipo, alleli in "cis" e alleli in "trans" (o in "repulsione").

Chiasmi e crossing-over. Definizione di unità di mappa genetica. Unità di mappa genetica: centiMorgan, o percentuale di ricombinazione.

Relazione tra distanza genetica e distanza fisica nel genoma umano. Calcolo della distanza di mappa genetica tra due loci. Mappatura dei cromosomici eucarioti tramite la ricombinazione: mappatura a due loci concatenati. Esercizi sulla mappatura a due loci. Predire la progenie attesa incrociando due diibridi con loci a distanza di mappa 30cM.

L'incrocio a tre punti (tre loci concatenati). Stabilire l'ordine e la distanza di mappa genetica di loci in linkage. Esercizi sull'incrocio a tre punti.

Calcolo del coefficiente di coincidenza e interferenza.

Uno sguardo ravvicinato alla ricombinazione meiotica: il DNA eteroduplex e la struttura di Holliday.

Principi di Genetica di Popolazione: La legge di Hardy-Weinberg.



UNIVERSITÀ DI PISA

La legge di Hardy-Weinberg. Esercizi.

La deriva genetica.

La regolazione genica procariota.

- L'operone lac (lattosio).

Esercizi sui diploidi parziali.

Esercizi sui diploidi parziali.

- L'operone arabinosio.

L'attenuazione nell'operone triptofano.

La regolazione genica eucariota:

- Il regulone galattosio, le sequenze UAS,

le proteine Gal4, Gal80, TBP.

-l'effetto combinatorio dei fattori di trascrizione. Mating type in *S.cerevisiae*. Histone acetyl transferases (HAT). Histone deacetylases (HDAC).

Histone methyl transferases (HMT), histone demethylases (LSD1).

-gli enhancer, il controllo dell'espressione genica, il rimodellamento della cromatina. La proteina Tup1. Il complesso SWI/SNF.

-memoria epigenetica (Isole CpG, imprinting,

-l'effetto di posizione (con particolare riferimento agli studi di Muller sui cromosomi politenici in *Drosophila*)

Gli effetti delle mutazioni geniche.

Anatomia di un gene eucariota.

Le sequenze rilevanti per i geni codificanti per proteine. Lo splicing. Mutazioni nelle regioni critiche dello splicing.

Mutazioni nelle regioni regolatrici di enhancer, promotore, 5'UTR, CDS (coding sequence), 3'UTR. Esempi di mutazioni nelle regioni regolatorie.

Bibliografia e materiale didattico

"Genetica. Principi di analisi formale", by Anthony Griffiths (Zanichelli)

"Eserciziario di Genetica con guida alla soluzione" PICCIN. Ghisotti-Ferrari

Indicazioni per non frequentanti

tutte le info sono contenute sul sito ufficiale del corso e personale:

www.stefanolandi.eu

Modalità d'esame

E' prevista una prova scritta della durata di due ore.

Alla consegna della prova scritta occorre includere anche una relazione dell'attività svolta in laboratorio, preventivamente preparata e stampata su foglio A4, della lunghezza di massimo due facciate.

E' data facoltà di sostenere anche una prova orale facoltativa che può modificare la votazione di + / - 1 punto rispetto alla prova scritta.

Questa può essere sostenuta in qualsiasi momento dopo la correzione della prova scritta (anche fuori dal periodo delle date degli appelli). Per accedere alla prova orale basta prendere un appuntamento inviando una [posta elettronica](#).

Altri riferimenti web

Cercare su Moodle o www.stefanolandi.eu

Ultimo aggiornamento 03/08/2020 19:14